

◆ 医学前沿与研究 ◆

组蛋白修饰与癫痫的发生发展研究进展*

孔德燕, 韦建缘, 卢秉妮, 蓝元, 罗杰峰**

(广西医科大学第二附属医院, 广西南宁 530007)

摘要: 癫痫是由脑部神经元异常同步或过度放电导致的一种慢性脑部疾病。在神经系统疾病中, 癫痫已成为仅次于脑血管病的第二大严重威胁人类健康的疾病, 且其发病机制至今未明。表观遗传机制是调节基因表达的一种方式, 其中组蛋白修饰是主要的表观遗传修饰之一。组蛋白修饰的异常与癫痫的发生发展密切相关, 本文对组蛋白修饰与癫痫的关系进行综述, 以期从组蛋白修饰的角度阐明两者之间的关系, 为癫痫的防治提供新思路。

关键词: 癫痫 表观遗传学 组蛋白修饰 组蛋白乙酰化与甲基化 JMJD6

中图分类号: R742.1 文献标识码: A 文章编号: 1005-9164(2022)03-0415-08

DOI: 10.13656/j.cnki.gxkx.20220720.003

癫痫是一组由脑部神经元高度同步化异常放电导致的一种慢性脑部疾病。全球有 7 000 多万的患者, 每年约有 240 万的新增癫痫患者^[1], 癫痫的发病机制目前尚未完全明确。表观遗传是基于 DNA 序列在没有改变的情况下出现的基因功能或表达水平发生的可遗传性变化^[2]。经典的表观遗传修饰主要包括 DNA 甲基化、组蛋白修饰以及非编码 RNA。近年来, 组蛋白修饰与癫痫的关系成为国内外研究的热点, 组蛋白修饰不仅在中枢神经系统的正常发育过程中发挥关键的作用, 而且组蛋白修饰所介导的基因调控过程也参与了癫痫的发生和发展过程^[3]。本文对组蛋白修饰与癫痫的关系进行综述, 为癫痫的防治

提供新靶点。

1 组蛋白修饰

组蛋白是参与组成真核生物染色体的结构蛋白, 具有高度的保守性^[4]。组蛋白主要有 H1、H2A、H2B、H3、H4 5 种。组蛋白修饰是表观遗传调控的重要形式之一。每个核心组蛋白由一个球形结构域和暴露在核小体表面的 N 端尾区组成, 其中 N 端氨基末端会发生多种共价修饰, 包括乙酰化、甲基化、磷酸化、腺苷酸化、泛素化和 ADP 核糖基化等。随后, 相关蛋白质识别这些化学修饰并募集转录激活或抑制因子到特异的修饰位点调节基因表达^[5]。组蛋白

收稿日期: 2022-02-21

* 国家自然科学基金项目(81801361)资助。

【作者简介】

孔德燕(1982-), 女, 教授, 硕士生导师, 主要从事癫痫和脑血管疾病研究。

【**通信作者】

罗杰峰(1966-), 男, 教授, 硕士生导师, 主要从事癫痫和脑血管疾病研究, E-mail: drljf98@163.com。

【引用本文】

孔德燕, 韦建缘, 卢秉妮, 等. 组蛋白修饰与癫痫的发生发展研究进展[J]. 广西科学, 2022, 29(3): 415-422.

KONG D Y, WEI J Y, LU B N, et al. Research Progress of Histone Modification and the Occurrence and Development of Epilepsy [J]. Guangxi Sciences, 2022, 29(3): 415-422.

上能发生共价修饰的氨基酸残基称为修饰位点, 修饰位点一般位于 4 种常见组蛋白(H2A、H2B、H3 和 H4, 尤其是 H3 和 H4)的游离氨基酸残基上^[6]。各种组蛋白修饰都有相应的酶类, 不同的组蛋白修饰通过不同的作用机制调控染色质的结构和功能。组蛋白修饰不仅与染色体的重塑和功能状态紧密相关, 而且在决定细胞命运、细胞生长以及致癌作用的过程中发挥重要作用^[7]。组蛋白修饰主要是调控基因的表达, 在基因转录以及 DNA 复制等方面起着重要的作用。

目前关于组蛋白修饰中乙酰化、甲基化的相关研究较多, 因此下面将主要从组蛋白乙酰化与癫痫、组蛋白甲基化与癫痫两方面进行阐述。

2 组蛋白乙酰化与癫痫

乙酰化是组蛋白修饰的重要形式之一。组蛋白乙酰化由组蛋白乙酰化转移酶(Histone Acetyltransferase, HAT)催化, 使染色质结构松解从而导致染色质结构松弛, 并将转录因子结合到相应的位点上, 从而激活修饰基因的表达。组蛋白去乙酰化则由组蛋白去乙酰化酶(Histone Deacetylase, HDAC)催化, HDAC 从核心组蛋白上移除乙酰基团从而抑制基因转录^[8]。组蛋白乙酰化与维持突触及记忆功能密切相关。组蛋白乙酰化异常与多种神经系统疾病密切相关, 如 Rubinstein-Taybi 综合征与 HAT 功能障碍相关^[9]。

组蛋白 H3 乙酰化通过多种机制调控依赖 ATP 的染色质重塑^[10]。研究发现, 组蛋白乙酰化异常与癫痫模型的海马结构病理改变密切相关^[11,12]。组蛋白 H3 赖氨酸 9 乙酰化(H3K9Ac)是存在于转录活性染色质中的表观遗传标记。研究表明, 低氧大鼠海马 CA3 区 H3K9Ac 和 H3K14Ac 的表达水平降低, 引起神经元神经变性和神经递质传递受损^[11]。海马内单侧注射红藻酸(KA)的癫痫模型中, 在急性癫痫持续状态期间(注射 KA 后 2-6 h), 海马颗粒细胞和锥体细胞层中 HDAC1、HDAC2 和 HDAC11 的表达显著降低; 而在慢性期(注射 KA 后 14-48 h) HDAC1 仅在颗粒细胞中轻度增加^[12]。另一项研究发现, HDAC2 广泛分布在产后大鼠海马 CA1 和 CA3 区的锥体细胞中, HDAC2 敲除大鼠的这些区域中的树突棘密度显著增加, 表明 HDAC2 能调节海马突触的形成并影响学习和记忆的功能^[13]。有研究发现, 颞叶癫痫(TLE)患者颞叶 HDAC2 的表达水平明

显增高^[3], 表明 HDAC2 在 TLE 的发病机制中发挥着重要的作用。另外, HDAC4 可以通过上调 γ -氨基丁酸 A 型受体 $\alpha 1$ (Gamma-Aminobutyric Acid-A Receptor alpha 1, GABAAR $\alpha 1$) 和氨基丁酸 A 型受体 $\alpha 4$ (Gamma-Aminobutyric Acid-A Receptor alpha 4, GAB-AAR $\alpha 4$) 水平和下调谷氨酸脱羧酶抗体 65 (Glutamate Decarboxylase 65, GAD65)、 γ -氨基丁酸运载蛋白 1 (GABA Transporter 1, GAT-1) 和 γ -氨基丁酸运载蛋白 3 (GABA Transporter 3, GAT-3) 水平来缓解癫痫的发生^[14]。在注射 KA 后的癫痫模型中, 海马颗粒细胞中 HDAC5 和 HDAC9 的表达增加^[15]。以上研究表明, HDAC 表达的异常在癫痫的发生过程中起着重要的作用。

癫痫持续状态后, 谷氨酸受体 2 (Glutamate Receptor, GluR2) 的 mRNA 和蛋白质水平均下调, 而 HDAC 抑制剂可逆转 GluR2 相关组蛋白的脱乙酰基作用, 减弱癫痫发作引起的 GluR2 下调^[16]。Glu 过度激活离子型 Glu 受体会诱发异常放电导致癫痫的发生。 α -氨基-3-羟基-5-甲基-4-异恶唑丙酸 (Alpha-Amino-3-Hydroxy-5-Methyl-4-Isioxazolepropionic Acid, AMPA) 受体属于离子型谷氨酸受体家族, 是由 4 种亚单位(GluA1-GluA4)组成的四聚体。GluA2 亚单位是钙通透性的决定因素, 含有 GluA2 受体的 Ca^{2+} 离子通道渗透性差。钙通透性(含 GluA2 亚基)AMPA 受体主要表达兴奋性投射神经元^[17], 因而缺乏 GluA2 的 AMPA 受体可通过钙离子进入神经元而促进神经的兴奋性。有研究表明, 突触的可塑性可通过神经元突触中钙通透性的 AMPA 受体表达进行调控^[18]。AMPA 受体在海马区分布密集, 当过度激活 AMPA 受体时, 常常会诱发颞叶癫痫^[19], 表明 AMPA 受体的过度表达会导致神经元的过度兴奋而引起癫痫的发生。吡仑帕奈作为 AMPA 受体拮抗剂, 是一种抗癫痫药物, 是部分发作性以及全面强直-阵挛性发作的辅助治疗药物^[20,21]。AMPA 受体会在其 C 末端进行赖氨酸乙酰化, 从而减少 AMPA 受体的内化和降解, 增加细胞表面稳定性, 延长受体的半衰期, 使 AMPA 受体水平增加^[22]。因此, AMPA 受体可能会通过乙酰化使受体水平升高、 Ca^{2+} 通透性及 Ca^{2+} 内流增加, 从而增加神经元的膜电位, 导致神经细胞持续去极化, 降低其兴奋阈值, 从而影响神经的兴奋性, 诱发异常放电参与癫痫的发生发展过程。

也有研究发现, 癫痫与大鼠海马组蛋白 H4 基因

启动子区域的高乙酰化有关,通过特异性地抑制 CREB 结合蛋白(Cap Binding Proteins, CBPs) CBP/p300 的乙酰基转移酶活性,从而抑制组蛋白修饰的诱导过程并减轻癫痫的严重程度^[23]。脑源性神经营养因子(Brain-derived Neurotrophic Factor, BDNF)在学习记忆过程、突触可塑性以及神经细胞存活中起关键作用^[24]。BDNF 在星形胶质细胞中过度表达,会导致神经兴奋性的增加或神经元细胞死亡^[25]。BDNF 启动子 P1-P3 位点持续高水平乙酰化以及 P4 位点乙酰化减少,与癫痫的转录诱导结果一致^[26]。且在急性电刺激惊厥模型中发现,BDNF 表达的上调与 BDNF P2 启动子的 H4 乙酰化水平相关^[27]。由此可见,BDNF 的乙酰化会导致神经兴奋性增加而参与癫痫的发生,因而 BDNF 有可能成为治疗癫痫的新靶点。组蛋白的乙酰化与癫痫的发生及发展密切相关,并且组蛋白乙酰化和去乙酰化程度可能影响大脑的认知功能,导致癫痫患者出现学习障碍或记忆力减退。

组蛋白的乙酰化与去乙酰化也可用于治疗癫痫。丙戊酸(Valproic Acid, VPA)是最常用的抗癫痫药物之一,有研究认为其机制可能是丙戊酸使 H3K9/14 乙酰化水平升高,去乙酰化减少^[28]。伏立诺他(Vorinostat, SAHA)是一种组蛋白去乙酰化抑制酶,可使 Toll 样受体 4 (Toll-like Receptor 4, TLR4)基因的组蛋白 H3 第九位赖氨酸(H3K9)低乙酰化,从而减轻 KA 诱导的癫痫发作^[29]。生酮饮食(Ketogenic Diet, KD)是治疗癫痫的一种方式。有研究发现,生酮饮食通过提高组蛋白乙酰化来增加神经调节蛋白 1 (Neuregulin-1, NRG1)的表达,从而抑制癫痫发作^[30]。2-苯甲酰胺基-1,4-萘醌(2-Benzamido-1,4-Naphthoquinone, NQN1)是一种 HDAC 抑制剂,会减少癫痫发作等相关行为,维生素 K (VK)家族与 NQN1 拥有相同的萘醌结构,新型维生素 K 类似物可减少癫痫小鼠模型的癫痫发作^[31]。由此可见,目前已有一些去乙酰化酶抑制剂被应用于治疗癫痫,组蛋白的乙酰化与去乙酰化可能会成为治疗癫痫的新靶点。

3 组蛋白甲基化与癫痫

组蛋白甲基化常发生在 H3 和 H4 组蛋白的 N 端赖氨酸(K)或精氨酸(R)残基上,由组蛋白甲基化转移酶(Histone methyl Transferase, HMT)完成^[32],研究表明组蛋白甲基化酶在大脑发育和突触可塑性

形成过程中发挥重要的作用^[33]。HMTs 催化甲基从 S-腺苷甲硫氨酸(S-Adenosylmethionine, SAM)转移到组蛋白上^[34]。组蛋白赖氨酸甲基转移基因 2A (The histone Lysine-methyltransferase 2A Gene, KMT2A)通过 H3K4 的单甲基化和三甲基化来促进神经元基因的表达从而参与记忆的形成过程^[35]。

目前, HMT 分为 3 个家族,包括含有 SET 结构域的甲基转移酶(Methyltransferases SET Domain-containing, SET)、作用于赖氨酸的类端粒沉默干扰体-1 样蛋白(Disruptor of Telomeric Silencing-1, Dot1)^[36]和蛋白质精氨酸甲基转移酶(Protein Arginine Methyltransferases, PRMTs)^[37,38]。研究发现, Dot1 的活性及调控在转录、细胞调控和 DNA 损伤反应等不同的生物过程中发挥重要的作用^[39]。Dot1 也被称为 KMT4,是一种可以使组蛋白 H3 赖氨酸 79 (Histone H3 Lysine 79, H3K79)甲基化的催化酶^[40], H3K79 甲基化普遍与基因转录相关^[41]。组蛋白去甲基酶(Histone Demethylases, HDMS)在赖氨酸或精氨酸中可以脱去各种甲基化的酶^[42,43]。赖氨酸去甲基酶(Histone lysine Demethylase, KDM)分为两个家族,分别为胺氧化酶和含铁依赖双加氧酶的 JMJC 结构域^[44,45]。JMJC 结构域蛋白 6 (Jumonji C-Domain Containing Protein 6, JMJD6)则是一种精氨酸去甲基酶^[46]。组蛋白甲基化修饰是一种常见的基因表达调控方式,组蛋白的甲基化水平会影响神经系统的突触可塑性改变,并参与癫痫的发生发展过程^[47,48]。

3.1 赖氨酸甲基化与癫痫

赖氨酸残基可以被单(me)、双(me2)或三(me3)甲基化。H3K4 去甲基酶包括 KDM1 (KDM1A, KDM1B) 和 KDM5 (KDM5A, KDM5B, KDM5C)^[49],而 KDM5C 与癫痫及 X 连锁精神发育迟滞综合征密切相关^[48]。H3K4 的组蛋白甲基化已被证明在神经系统发生及发育过程中发挥重要作用^[50]。H3K4me3、H3K9me2 能够调控记忆的形成^[51], H3K4me3 宽峰 NeuN+ 调节参与学习与记忆过程中神经元连接的基因和信号传导,包括许多离子通道和突触的可塑性^[52]。含 1B 基因的 SET 结构域(SET Domain Containing 1B, SETD1B)是 SET1 组蛋白甲基转移酶复合物的组成部分,介导组蛋白 H3K4 的甲基化。研究表明,SETD1B 基因的变异与智力缺陷及癫痫相关^[53]。赖氨酸特异性去甲基酶 1 (Lysine-Specific Demethylase 1, LSD1)是鉴定出

的第一个赖氨酸去甲基化酶,能使 H3K4 去甲基化^[44]。LSD1 特异性缺失的小鼠癫痫敏感性降低,神经性 LSD1 缺失的小鼠对毛果芸香碱诱导的癫痫持续状态(Status Epilepticus, SE)的敏感性降低^[54]。

H3K9 甲基化修饰可引起基因沉默^[55]。成纤维细胞生长因子 2 (Fibroblast Growth Factor 2, FGF2) 已被证明可以诱导 H3K4 甲基化并减少 GFAP 启动子上的 H3K9 甲基化。H3K9 二甲甲基化(H3 lysine 9 Dimethylation, H3K9me2) 可促进 DNA 甲基化,从而有效减少与突触可塑性相关的基因表达^[56]。癫痫持续状态使组蛋白 H3K9 二甲甲基化水平及组蛋白 H3K9 甲基转移酶 G9a 的表达水平下调,说明 H3K9 甲基化可能在调节癫痫持续状态早期的神经网络兴奋性方面发挥重要作用^[57]。基质金属蛋白酶 9 (Matrix Metalloproteinase-9, MMP-9) 水平与人类和啮齿动物癫痫的发病机制有关,而组蛋白 H3 上赖氨酸 27 三甲甲基化(Trimethylation of Lysine 27 on histone H3, H3K27me3)影响 MMP-9 在癫痫发生中的作用^[58]。由此可见,赖氨酸甲基化可能参与癫痫及持续状态的发病过程并影响记忆力。

3.2 精氨酸甲基化与癫痫

组蛋白精氨酸甲基化修饰是组蛋白翻译后修饰的重要方式之一,由 PRMTs 催化精氨酸残基形成,参与许多重要的细胞过程,对基因的转录调控有非常重要的作用。精氨酸甲基化可以是单甲基化(Me)、对称双甲基化(Me2s)或不对称双甲基化(Me2a)^[59]。PRMT1 可催化组蛋白 H4 第 3 位精氨酸残基(H4R3)的甲基化,而 PRMT5 可催化组蛋白 H3 第 8 位及 H4 第 3 位精氨酸(H3R8、H4R3)的甲基化^[60]。蛋白质精氨酸甲基转移酶 7 (Protein Arginine Methyltransferase 7, PRMT7) 可催化 H2AR3 和 H4R3 上的二甲甲基化,并负调控相关基因的转录。缺乏 PRMT7 的细胞表现出 DNA 修复基因的表达增加,并增强了对 DNA 损伤剂的抵抗力^[61]。PRMT7 基因的复合或纯合变异可导致一种新的智力障碍综合征,称为 SBIDDS 综合征(Short Stature, Brachydactyly, Intellectual Developmental Disability, and Seizures),主要临床表现为身材矮小、短指、智力发育障碍和癫痫发作^[62]。PRMT8 主要表达在大脑的神经元上^[63]。

钠通道是神经元兴奋性的基础,癫痫的发病与调控离子通道的基因表达异常有关。电压门控钠(Nav)通道是抗癫痫药物(Antiepileptic Drugs,

AEDs)控制癫痫神经元兴奋性的主要治疗靶点。Nav1.2 是人类大脑中最丰富的 Nav 通道,主要存在于轴突和神经末梢^[64]。Nav1.2 是与癫痫发病相关的主要通道,也是 AEDs 的靶点^[65]。颅脑中精氨酸甲基转移酶 PRMT8 表达异常导致 Nav1.2 电流显著增加^[66]。因此,PRMT8 可能通过调节 Nav1.2 通道参与癫痫的发生发展。JMJC 结构域蛋白 6 (Jumonji C-Domain Containing Protein 6, JMJD6) 是第一个被描述的精氨酸去甲基化酶,能使精氨酸 2 上的组蛋白 H3 (Histone H3 Arginine 2, H3R2) 和精氨酸 3 上的组蛋白 H4 (Histone H4 Arginine 3, H4R3) 脱甲基^[67]。JMJD6 可以调节细胞的分化和增殖,异常调节会影响细胞的成熟^[68]。JMJD6 介导的组蛋白精氨酸残基的甲基化修饰会影响染色质的重组和基因表达,其在细胞分化和增殖过程中发挥重要作用^[67]。有研究表明,宫内缺氧可能会导致 JMJD6 功能减弱,从而导致海马 CA3 区功能异常的神经元数量增多,大鼠的学习和记忆能力下降^[69]。海马的病理改变与癫痫的发病密切相关,因此, JMJD6 可能通过影响海马区神经元的功能从而参与癫痫的发生发展。

4 展望

癫痫是一种复杂的脑部疾病,受多方面因素(如环境、遗传、睡眠等)的影响,且发病机制尚未阐明。组蛋白修饰与癫痫有密切的关系,虽然目前对于组蛋白修饰与癫痫的关系相关的研究较少,但是从现有研究可了解到组蛋白修饰与学习、记忆以及认识密切相关,并通过影响神经网络的兴奋性从而影响癫痫的发生发展。因此,组蛋白修饰也成为癫痫的重要治疗靶点之一。目前,有多种 HDAC 抑制剂已被应用于治疗癫痫,如丙戊酸钠作为一种 HDAC 抑制剂,是一种常用的抗癫痫药,不仅能减少癫痫的发作,而且在癫痫模型中具有神经保护的作用,可以减少异常的神经发生和改善认知功能^[70],表明组蛋白去乙酰化酶抑制剂可能成为癫痫防治的新药物。

目前,组蛋白去甲基化与癫痫相关的研究虽然仍处于起步阶段,但是已有研究表明组蛋白去甲基化会影响神经的兴奋性及突触的可塑性,导致脑网络功能和结构改变,从而促进癫痫的发生发展。目前临床上用于治疗癫痫的方法,不仅疗效有限而且存在不同的副作用。组蛋白修饰已逐渐成为癫痫发病机制研究的热点,对表观遗传修饰异常特别是组蛋白修饰与癫

痫的相关性仍需进一步深入研究,为癫痫的发病机制提供新思路以及为癫痫的治疗提供新靶点。

参考文献

- [1] MOSHÉ S L, PERUCCA E, RYVLIN P, et al. Epilepsy: New advances [J]. *The Lancet*, 2015, 385 (9971): 884-898.
- [2] JASIULIONIS M G. Abnormal epigenetic regulation of immune system during aging [J]. *Frontiers in Immunology*, 2018, 9:197. DOI:10.3389/fimmu.2018.00197.
- [3] HUANG Y Y, ZHAO F H, WANG L, et al. Increased expression of histone deacetylases 2 in temporal lobe epilepsy: A study of epileptic patients and rat models [J]. *Synapse*, 2012, 66(2): 151-159.
- [4] 晏强, 周献青, 薛雯, 等. 表观遗传 DNA 甲基化和组蛋白修饰与疾病关系的研究进展 [J]. *医学综述*, 2017, 23(16): 3160-3163, 3169.
- [5] WANG J G, CAI Q, ZHENG J, et al. Epigenetic suppression of GADs expression is involved in temporal lobe epilepsy and pilocarpine-induced mice epilepsy [J]. *Neurochemical Research*, 2016, 41(7): 1751-1760.
- [6] 王维, 孟智启, 石放雄. 组蛋白修饰及其生物学效应 [J]. *遗传*, 2012, 34(7): 810-818.
- [7] TORRES-PADILLA M E, PARFITT D E, KOUZARIDES T, et al. Histone arginine methylation regulates pluripotency in the early mouse embryo [J]. *Nature*, 2007, 445(7124): 214-218.
- [8] PODOBINSKA M, SZABLOWSKA-GADOMSKA I, AUGUSTYNIAK J, et al. Epigenetic modulation of stem cells in neurodevelopment: The role of methylation and acetylation [J]. *Frontiers in Cellular Neuroscience*, 2017, 11:23. DOI:10.3389/fncel.2017.00023.
- [9] URDINGUIO R G, SANCHEZ-MUT J V, ESTELLER M. Epigenetic mechanisms in neurological diseases: Genes, syndromes, and therapies [J]. *The Lancet Neurology*, 2009, 8(11): 1056-1072.
- [10] CHATTERJEE N, SINHA D, LEMMA-DECHASSA M, et al. Histone H3 tail acetylation modulates ATP-dependent remodeling through multiple mechanisms [J]. *Nucleic Acids Research*, 2011, 39(19): 8378-8391.
- [11] BISWAL S, DAS D, BARHWAL K, et al. Epigenetic regulation of SNAP25 prevents progressive glutamate excitotoxicity in hypoxic CA3 neurons [J]. *Molecular Neurobiology*, 2017, 54(8): 6133-6147.
- [12] JAGIRDAR R, DREXEL M, KIRCHMAIR E, et al. Rapid changes in expression of class I and IV histone deacetylases during epileptogenesis in mouse models of temporal lobe epilepsy [J]. *Experimental Neurology*, 2015, 273: 92-104.
- [13] GUAN J S, HAGGARTY S J, GIACOMETTI E, et al. HDAC2 negatively regulates memory formation and synaptic plasticity [J]. *Nature*, 2009, 459 (7243): 55-60.
- [14] ZHANG Y N, DONG H T, DUAN L, et al. HDAC4 gene silencing alleviates epilepsy by inhibition of GABA in a rat model [J]. *Neuropsychiatric Disease and Treatment*, 2019, 15: 405-416.
- [15] JAGIRDAR R, DREXEL M, BUKOVAC A, et al. Expression of class II histone deacetylases in two mouse models of temporal lobe epilepsy [J]. *Journal of Neurochemistry*, 2016, 136(4): 717-730.
- [16] HUANG Y F, DOHERTY J J, DINGLELINE R. Altered histone acetylation at *Glutamate receptor 2* and *Brain-derived neurotrophic factor* genes is an early event triggered by status epilepticus [J]. *Journal of Neuroscience*, 2002, 22(19): 8422-8428.
- [17] LODGE D. The history of the pharmacology and cloning of ionotropic glutamate receptors and the development of idiosyncratic nomenclature [J]. *Neuropharmacology*, 2009, 56(1): 6-21.
- [18] CEPRIAN M, FULTON D. Glial cell AMPA receptors in nervous system health, injury and disease [J]. *International Journal of Molecular Sciences*, 2019, 20(10): 2450. DOI:10.3390/ijms20102450.
- [19] YAMAZAKI M, FUKAYA M, HASHIMOTO K, et al. TARPs gamma-2 and gamma-7 are essential for AMPA receptor expression in the cerebellum [J]. *European Journal of Neuroscience*, 2010, 31(12): 2204-2220.
- [20] KRAUSS G L, SERRATOSA J M, VILLANUEVA V, et al. Randomized phase III study 306: Adjunctive perampanel for refractory partial-onset seizures [J]. *Neurology*, 2012, 78(18): 1408-1415.
- [21] FRENCH J A, KRAUSS G L, WECHSLER R T, et al. Perampanel for tonic-clonic seizures in idiopathic generalized epilepsy: A randomized trial [J]. *Neurology*, 2015, 85(11): 950-957.
- [22] WANG G, LI S M, GILBERT J, et al. Crucial roles for SIRT2 and AMPA receptor acetylation in synaptic plasticity and memory [J]. *Cell Reports*, 2017, 20(6): 1335-1347.
- [23] TSANKOVA N M, KUMAR A, NESTLER E J. Histone modifications at gene promoter regions in rat hippocampus after acute and chronic electroconvulsive sei-

- zures [J]. *Journal of Neuroscience*, 2004, 24(24): 5603-5610.
- [24] CUNHA C, BRAMBILLA R, THOMAS K L. A simple role for BDNF in learning and memory? [J]. *Frontiers in Molecular Neuroscience*, 2010, 3: 1-14. DOI: 10.3389/fneuro.2010.001.2010.
- [25] FERNÁNDEZ-GARCÍA S, SANCHO-BALSELLS A, LONGUEVILLE S, et al. Astrocytic BDNF and TrkB regulate severity and neuronal activity in mouse models of temporal lobe epilepsy [J]. *Cell Death & Disease*, 2020, 11(6): 411. DOI: 10.1038/s41419-020-2615-9.
- [26] TIMMUSK T, PALM K, METSIS M, et al. Multiple promoters direct tissue-specific expression of the rat BDNF gene [J]. *Neuron*, 1993, 10(3): 475-489.
- [27] TSANKOVA N M, KUMAR A, NESTLER E J. Histone modifications at gene promoter regions in rat hippocampus after acute and chronic electroconvulsive seizures [J]. *Journal of Neuroscience*, 2004, 24(24): 5603-5610.
- [28] LUNKE S, MAXWELL S, KHURANA I, et al. Epigenetic evidence of an Ac/Dc axis by VPA and SAHA [J]. *Clinical Epigenetics*, 2021, 13(1): 58. DOI: 10.1186/s13148-021-01050-4.
- [29] HU Q P, MAO D A. Histone deacetylase inhibitor SAHA attenuates post-seizure hippocampal microglia TLR4/MYD88 signaling and inhibits TLR4 gene expression via histone acetylation [J]. *BMC Neuroscience*, 2016, 17(1): 22. DOI: 10.1186/s12868-016-0264-9.
- [30] WANG J, HUANG J, YAO S, et al. The ketogenic diet increases Neuregulin 1 expression via elevating histone acetylation and its anti-seizure effect requires ErbB4 kinase activity [J]. *Cell & Bioscience*, 2021, 11(1): 93. DOI: 10.1186/s13578-021-00611-7.
- [31] RAHN J J, BESTMAN J E, JOSEY B J, et al. Novel Vitamin K analogs suppress seizures in zebrafish and mouse models of epilepsy [J]. *Neuroscience*, 2014, 259: 142-154.
- [32] 梁琳, 卢光琇. 组蛋白甲基化的研究进展 [J]. *现代医学进展*, 2009, 9(10): 1964-1966.
- [33] XU J, ANDREASSI M. Reversible histone methylation regulates brain gene expression and behavior [J]. *Hormones and Behavior*, 2011, 59(3): 383-392.
- [34] MURRAY K. The occurrence of ϵ -N-methyl lysine in histones [J]. *Biochemistry*, 1964, 3(1): 10-15.
- [35] KERIMOGLU C, SAKIB M S, JAIN G, et al. KMT2A and KMT2B mediate memory function by affecting distinct genomic regions [J]. *Cell Reports*, 2017, 20(3): 538-548.
- [36] YANG Y Z, BEDFORD M T. Protein arginine methyltransferases and cancer [J]. *Nature Reviews Cancer*, 2013, 13(1): 37-50.
- [37] BLANC R S, RICHARD S. Arginine methylation: The coming of age [J]. *Molecular Cell*, 2017, 65(1): 8-24.
- [38] BLACK J C, VAN RECHEM C, WHETSTINE J R. Histone lysine methylation dynamics: Establishment, regulation, and biological impact [J]. *Molecular Cell*, 2012, 48(4): 491-507.
- [39] NGUYEN A T, ZHANG Y. The diverse functions of Dot1 and H3K79 methylation [J]. *Genes & Development*, 2011, 25(13): 1345-1358.
- [40] FAROOQ Z, BANDAY S, PANDITA T K, et al. The many faces of histone H3K79 methylation [J]. *Mutation Research - Reviews in Mutation Research*, 2016, 768: 46-52.
- [41] STEGER D J, LEFTEROVA M I, YING L, et al. DOT1L/KMT4 recruitment and H3K79 methylation are ubiquitously coupled with gene transcription in mammalian cells [J]. *Molecular and Cellular Biology*, 2008, 28(8): 2825-2839.
- [42] DIMITROVA E, TURBERFIELD A H, KLOSE R J. Histone demethylases in chromatin biology and beyond [J]. *EMBO Reports*, 2015, 16(12): 1620-1639.
- [43] KOOISTRA S M, HELIN K. Molecular mechanisms and potential functions of histone demethylases [J]. *Nature Reviews Molecular Cell Biology*, 2012, 13(5): 297-311.
- [44] SHI Y J, LAN F, MATSON C, et al. Histone demethylation mediated by the nuclear amine oxidase homolog LSD1 [J]. *Cell*, 2004, 119(7): 941-953.
- [45] TSUKADA Y, FANG J, ERDJUMENT-BROMAGE H, et al. Histone demethylation by a family of JmjC domain-containing proteins [J]. *Nature*, 2006, 439(7078): 811-816.
- [46] CHANG B S, CHEN Y, ZHAO Y M, et al. JMJD6 is a histone arginine demethylase [J]. *Science*, 2007, 318(5849): 444-447.
- [47] JAKOVCEVSKI M, RUAN H Y, SHEN E Y, et al. Neuronal Kmt2a/Mll1 histone methyltransferase is essential for prefrontal synaptic plasticity and working memory [J]. *The Journal of Neuroscience*, 2015, 35(13): 5097-5108.
- [48] ABIDI F E, HOLLOWAY L, MOORE C A, et al. Mutations in *JARID1C* are associated with X-linked men-

- tal retardation, short stature and hyperreflexia [J]. *Journal of Medical Genetics*, 2008, 45(12): 787-793.
- [49] HYUN K, JEON J, PARK K, et al. Writing, erasing and reading histone lysine methylations [J]. *Experimental and Molecular Medicine*, 2017, 49(4): e324. DOI:10.1038/emm.2017.11.
- [50] KYLE S M, VASHI N, JUSTICE M J. Rett syndrome: A neurological disorder with metabolic components [J]. *Open Biology*, 2018, 8(2): 170216. DOI:10.1098/rsob.170216.
- [51] GUPTA S, KIM S Y, ARTIS S, et al. Histone methylation regulates memory formation [J]. *The Journal of Neuroscience*, 2010, 30(10): 3589-3599.
- [52] DINCER A, GAVIN D P, XU K, et al. Deciphering H3K4me3 broad domains associated with gene-regulatory networks and conserved epigenomic landscapes in the human brain [J]. *Translational Psychiatry*, 2015, 5(11): e679. DOI:10.1038/tp.2015.169.
- [53] HIRAIDE T, NAKASHIMA M, YAMOTO K, et al. De novo variants in *SETD1B* are associated with intellectual disability, epilepsy and autism [J]. *Human Genetics*, 2018, 137(1): 95-104.
- [54] RUSCONI F, PAGANINI L, BRAIDA D, et al. LSD1 neurospecific alternative splicing controls neuronal excitability in mouse models of epilepsy [J]. *Cerebral Cortex*, 2015, 25(9): 2729-2740.
- [55] JACOBS S A, KHORASANIZADEH S. Structure of HP1 chromodomain bound to a lysine 9-methylated histone H3 tail [J]. *Science*, 2002, 295(5562): 2080-2083.
- [56] SHINKAI Y, TACHIBANA M. H3K9 methyltransferase G9a and the related molecule GLP [J]. *Genes & Development*, 2011, 25(8): 781-788.
- [57] 郭克, 扈启宽. 小鼠癫痫持续状态时组蛋白 H3K9 二甲基化水平的变化及其调控作用 [J]. *宁夏医科大学学报*, 2013, 35(7): 748-751, 755.
- [58] ZYBURA-BRODA K, AMBORSKA R, AMBROZEK-LATECKA M, et al. Epigenetics of epileptogenesis-evoked upregulation of matrix metalloproteinase-9 in hippocampus [J]. *PLoS One*, 2016, 11(8): e0159745. DOI:10.1371/journal.pone.0159745.
- [59] GONG F, MILLER K M. Histone methylation and the DNA damage response [J]. *Mutation Research - Reviews in Mutation Research*, 2019, 780: 37-47.
- [60] WYSOCKA J, ALLIS C D, COONROD S. Histone arginine methylation and its dynamic regulation [J]. *Frontiers in Bioscience*, 2006, 11: 344-355.
- [61] KARKHANIS V, WANG L, TAE S, et al. Protein arginine methyltransferase 7 regulates cellular response to DNA damage by methylating promoter histones H2A and H4 of the polymerase δ catalytic subunit gene, *POLD1* [J]. *Journal of Biological Chemistry*, 2012, 287(35): 29801-29814.
- [62] AGOLINI E, DENTICI M L, BELLACCHIO E, et al. Expanding the clinical and molecular spectrum of *PRMT7* mutations: Three additional patients and review [J]. *Clinical Genetics*, 2018, 93(3): 675-681.
- [63] DI LORENZO A, BEDFORD M T. Histone arginine methylation [J]. *FEBS Letters*, 2011, 585(13): 2024-2031.
- [64] VACHER H, MOHAPATRA D P, TRIMMER J S. Localization and targeting of voltage-dependent ion channels in mammalian central neurons [J]. *Physiological Reviews*, 2008, 88(4): 1407-1447.
- [65] CATTERALL W A, LENAËUS M J, EL-DIN T M G. Structure and pharmacology of voltage-gated sodium and calcium channels [J]. *Annual Review of Pharmacology and Toxicology*, 2020, 60: 1-22.
- [66] BAEK J H, RUBINSTEIN M, SCHEUER T, et al. Reciprocal changes in phosphorylation and methylation of mammalian brain sodium channels in response to seizures [J]. *Journal of Biological Chemistry*, 2014, 289(22): 15363-15373.
- [67] CHANG B S, CHEN Y, ZHAO Y M, et al. JMJD6 is a histone arginine demethylase [J]. *Science*, 2007, 318(5849): 444-447.
- [68] ZHOU D X, ZHOU D, ZHAN S Q, et al. Inhibition of JMJD6 expression reduces the proliferation, migration and invasion of neuroglioma stem cells [J]. *Neoplasma*, 2017, 64(5): 700-708.
- [69] 徐小洁, 余鸿. 宫内缺氧对幼年大鼠海马 CA3 区 SYN、Jmjd6 的表达与学习、记忆能力的影响 [J]. *卫生职业教育*, 2020, 38(3): 104-106.
- [70] HOFFMANN K, CZAPP M, LÖSCHER W. Increase in antiepileptic efficacy during prolonged treatment with valproic acid: Role of inhibition of histone deacetylases? [J]. *Epilepsy Research*, 2008, 81(2/3): 107-113.

Research Progress of Histone Modification and the Occurrence and Development of Epilepsy

KONG Deyan, WEI Jianyuan, LU Bingni, LAN Yuan, LUO Jiefeng

(The Second Affiliated Hospital of Guangxi Medical University, Nanning, Guangxi, 530007, China)

Abstract: Epilepsy is a chronic brain disorder caused by abnormal synchronization or excessive discharge of neurons in the brain. In nervous system diseases, epilepsy has become the second largest serious threat to human health after cerebrovascular diseases, and its pathogenesis has not yet been understood. Epigenetic mechanism is a way to regulate gene expression, and histone modification is one of the main epigenetic modifications. Abnormal histone modifications are closely related to the occurrence and development of epilepsy. The relationship between histone modification and epilepsy is reviewed in this article to clarify the relationship between them from the perspective of histone modification and provide new ideas for the prevention and treatment of epilepsy.

Key words: epilepsy; epigenetics; histone modification; histone acetylation and methylation; JMJD6

责任编辑:唐淑芬

(上接第 414 页 Continued from page 414)

One Hundred Years of Progress in Clinical Xenotransplantation (Review)

CHEN Zhonghua¹, SUN Xuyong²

(1. Institute of Organ Transplantation, Tongji Hospital, Tongji Medical College, Huazhong University of Science and Technology, Wuhan, Hubei, 430030, China; 2. Guangxi Key Laboratory of Organ Donation and Transplantation, Guangxi Transplantation Medicine Research Center of Engineering Technology, Center of Transplantation Medicine, The Second Affiliated Hospital of Guangxi Medical University, Nanning, Guangxi, 530007, China)

Abstract: Recently, four consecutive cases of genetically engineered pig to human renal and cardiac xenotransplantation had been sustainably reported in United States. These advances have broken the silence of clinical research in xenotransplantation for nearly 30 years. In particular, experimental pig heart transplantation has achieved initial success, which has attracted wide attention. The future clinical application of xenotransplantation has taken a key step. These four cases, whether their spirit of innovation, technological progress, approval process, or the synchronous follow-up of ethics, are worth learning and using for reference by peers in China. Over the past 30 years, genetically engineered (GE) animal organs have been able to survive in non-human primates (NHPs) models for a long time. In these experiments, the hyper-acute rejection reactions involved in the mechanisms of pre-existing antibodies, complement activation, and coagulation state were basically effectively controlled. Xenotransplantation has reached the starting point of clinical application. However, four major issues remain to be addressed in the future: Immune rejection, biosafety, cross-species adaptation and ethical psychology. The main progress of clinical xenotransplantation in the past 100 years has been briefly summarized in this article. The difficulty is obvious, but the hope and exploration have never ended.

Key words: xenotransplantation; genetically engineered pig; heart transplantation; kidney transplantation; organ transplantation

责任编辑:陆雁